

178

ISOLAMENTO E CARACTERIZAÇÃO DO cDNA DO HORMÔNIO DO CRESCIMENTO DE *Odontesthes argentinensis*. Maurício A. Rodrigues, Francyne C. Vieira, Luis F. Marins e José A. Levy. (Laboratório de Bioquímica Marinha, Departamento de Química, FURG).

A sequência do cDNA do hormônio de crescimento (GH) do peixe-rei marinho (*Odontesthes argentinensis*) foi obtida através da utilização do protocolo RACE (Rapid Amplification of cDNA Ends). O primeiro passo, para isolar o gene do GH, foi identificar regiões conservativas na sequência de aminoácidos do hormônio. O alinhamento das sequências de aminoácidos do GH de 23 espécies de peixes Acanthopterygii permitiu identificar uma sequência de aminoácidos conservada na região do C terminal. Esta região foi usada para o desenho dos primers específicos, para estabelecer uma estratégia para amplificar cópias através de PCR entre este ponto da transcrição e a terminação 3'. Para o isolamento do RNA total foram utilizados cerca de 100 mg de hipófises de *O. argentinensis*. Isolamento do mRNA foi realizado de acordo com os protocolos usuais utilizando Trizol, sendo obtidos 76,2 µg de RNA total. O msGH cDNA contém 928 nucleotídeos e codifica uma pré-proteína de 204 aminoácidos. A forma madura do msGH deduzida da sequência de msGH cDNA contém 187 aminoácidos. O hormônio mostrou uma construção típica de GH, com quatro cisteínas, capazes de formar duas pontes de dissulfeto, as quais auxiliam na formação da estrutura terciária da molécula de hormônio, um triptofano sozinho se localiza na posição característica 102 e além dos aminoácidos altamente conservados em sequências conhecidas de GHs. A sequência de aminoácidos do msGH maduro revelou um alto nível de homologia com os GHs de quatro espécies de peixes, representantes da ordem dos Perciformes: 92 % com *Lates calcarifer*, e 91% com *Sciaenops ocellatus*, *Sparus aurata* e *Thunnus thynnus*.(CNPq-PIBIC/FURG; UAB-FURG)