

**CONSTRUÇÃO DE UMA BIBLIOTECA GENÔMICA PARCIAL DE *SALMINUS MAXILLOSUS* (PISCES, CHARACIDAE).** Karin Rovaris Möller, Jaqueline Josi Samá Rodrigues (Centro de Ciências da Saúde, UNISINOS).

O conhecimento da estrutura genética de uma população é fundamental em programas de manejo de espécies. Com o intuito de direcionar a forma de criação de alevinos de dourado (*Salminus maxillosus*) destinados a um possível repovoamento dos rios da Bacia do Rio dos Sinos, o Laboratório de Biologia Molecular da UNISINOS vem trabalhando no sentido de determinar marcadores moleculares para avaliar a variabilidade genética dessa espécie nas populações presentes nessa hidrobacia. Para estabelecermos marcadores nucleares, pretendemos construir uma biblioteca genômica parcial dessa espécie e isolar e caracterizar clones contendo microssatélites. DNA genômico total foi clivado com a enzima de restrição *Sau3A*, produzindo fragmentos concentrados na faixa de 200 a 600 pares de bases. Esses fragmentos foram purificados em grande quantidade para posterior clonagem no plasmídeo pBlueScript II KS+. Uma alíquota desse plasmídeo foi clivada com *BamHI* e foram realizados vários testes de eficiência de clivagem, eficiência de transformação e eficiência da reação de ligação através de experimentos de transformação de *Escherichia coli* à base de  $\text{CaCl}_2$  e choque térmico. A melhor eficiência de transformação obtida até o momento foi  $10^4$  transformantes/ $\mu\text{g}$  DNA, o que é considerado muito baixa para a construção de uma biblioteca. Atualmente, estamos testando os mesmos parâmetros através do método de eletroporação. Quando forem estabelecidas as condições mais adequadas, faremos a clonagem dos fragmentos previamente purificados e posterior triagem dos clones recombinantes com sondas de microssatélites heterólogos. (UNIBIC/UNISINOS).