

359

IDENTIFICAÇÃO DE ELEMENTOS DE TRANSPOSIÇÃO DA FAMÍLIA *MARINER* EM *Girardia* (PLATYHELMINTHES – TRICLADIDA) Karin R. Möller, Desirée C. Schuck, Abel Bemvenuti, Jaqueline J. S. Rodrigues (Laboratório de Biologia Molecular, Centro de Ciências da Saúde, UNISINOS)

Elementos de transposição ou transposons são elementos genéticos móveis capazes de mudar de posição dentro de um cromossomo ou de passar de um cromossomo para outro, independente de haver homologia entre as regiões em que estão inseridos e a que se destinam. Estes elementos formam um grupo grande e heterogêneo, mas que apresentam características comuns que permitem identificá-los e agrupá-los em famílias e sub-famílias. O deslocamento dos transposons altera a organização estrutural do genoma, afetando a expressão gênica. A importância do seu estudo está relacionada com as consequências que têm sobre o genoma, pois eles dão origem a mecanismos que podem ter grandes efeitos na evolução. Durante um estudo que visava determinar a presença de genes *Wnt* no genoma de *Girardia schubarti* foi identificada, acidentalmente, uma sequência homóloga aos elementos da família *mariner*. Até o momento, havia sido identificado apenas um elemento de transposição, também pertencente à família *mariner*, em planárias, na espécie *Girardia tigrina*. Com o objetivo de avaliar a presença, a distribuição e o comportamento dos elementos de transposição nas planárias, projetamos oligonucleotídeos degenerados para amplificar, por PCR, elementos pertencentes a diferentes subfamílias da família *mariner*, a partir de DNA genômico de *G. schubarti* e *G. tigrina*. Para projetar os oligonucleotídeos utilizamos seqüências de aminoácidos de transposases de diferentes espécies, que se encontravam disponíveis no Genbank e as comparamos através do programa Clustal W. A seqüência de um produto de PCR de tamanho esperado de uma linhagem de *G. schubarti* foi obtido através de um seqüenciador automático. As análises preliminares indicam que o produto de PCR contém uma seqüência homóloga a um elemento descrito para *G. tigrina*. A seqüência obtida encontra-se em fase de estudo. Um número maior de indivíduos de diferentes linhagens de *G. schubarti* e *G. tigrina* serão analisados em uma fase posterior. (UNISINOS, Fapergs, UNIBIC)