

358

FILOGENIA MOLECULAR DA FAMÍLIA TRICHOMONADIDAE COM BASE NAS REGIÕES DE ITS-1, 5.8S E ITS-2. Josiane Bettim Bandinelli¹, Peter Kleina¹, Marlene Benchimol², Sandro Luís Bonatto¹, Maurício Reis Bogo¹. (¹Centro de Biologia Genômica e Molecular, PUCRS;

²Laboratório de Ultraestrutura Celular, USU).

Os tricomonadídeos constituem um grupo de protistas flagelados amitocondriais pertencentes ao filo Parabasalia. Embora a maioria das espécies descritas possua hábitos parasitos, tendo importância médica e veterinária, as formas de vida livre podem representar espécies derivadas de ancestrais que originaram os simbiossomas atuais ou linhagens que escaparam da relação simbiótica. A ordem Trichomonadida subdivide-se em cinco famílias, dentre elas Monocercomonadidae e Trichomonadidae (incluindo Trichomonadinae e Tritrichomonadinae). Divergências entre estudos filogenéticos e classificações morfológicas foram encontradas na literatura. A fim de compreender as relações filogenéticas da família Trichomonadidae, foram analisadas seqüências de rDNA das regiões ITS-1, 5.8S e ITS-2 de 35 linhagens de 11 espécies. As seqüências foram alinhadas pelo programa CLUSTAL X e as árvores filogenéticas construídas a partir da metodologia Neighbor-Joining (NJ) com distância de Tamura-Nei e Máxima Parcimônia (MP) através do programa MEGA (2.1). Para testar a polifilia sugerida à Trichomonadidae, *Monocercomonas* sp. foi incluída na análise. *Monocercomonas* sp. agrupou-se consistentemente com os tritrichomonadídeos, formando uma árvore tipo estrela que pressupõe ou uma recente expansão, ou mais provavelmente, diferentes linhagens pertencentes a mesma espécie. Por outro lado, a sub-família Trichomonadinae apresentou uma grau de divergência comparativamente mais alto entre os gêneros.

(CNPq e Fapergs)