

191

DETECÇÃO E IDENTIFICAÇÃO DE *Salmonella* sp., *S. Typhimurium*, *S. Enteritidis*, *S. Gallinarum* e *S. Pullorum* ATRAVÉS DA REACÇÃO EM CADEIA PELA POLIMERASE (PCR) EM MATERIAIS DE ORIGEM AVÍCOLA Carla R. Rodenbusch, Sílvia D. Oliveira, Luciana R. Santos, Ari B. Silva, Vladimir P. Nascimento, Cláudio W. Canal (Centro de Diagnóstico e Pesquisa em Patologia Aviária (CDPA), Departamento de

Medicina Animal, Faculdade de Veterinária, UFRGS).

Este trabalho teve como objetivo estabelecer uma técnica de detecção de *Salmonella* sp. e identificação de *S. Typhimurium*, *S. Enteritidis*, *S. Gallinarum* e *S. Pullorum*, sorovares contemplados pelo Programa Nacional de Sanidade Avícola (PNSA), através da Reacção em Cadeia pela Polimerase (PCR). A especificidade da técnica foi determinada com a utilização de 29 culturas de *S. Enteritidis*, 11 de *S. Gallinarum*, 10 de *S. Typhimurium*, 10 de *S. Pullorum*, 75 de outros 28 sorovares de *Salmonella* e de 21 de outros gêneros bacterianos. A especificidade para a detecção genérica de *Salmonella* e identificação de *S. Typhimurium* foi de 100%. Os iniciadores selecionados para amplificar especificamente um segmento do DNA de *S. Enteritidis*, *S. Gallinarum* e *S. Pullorum*, também detectaram a *S. Berta*. Os limites de detecção para a detecção genérica de *Salmonella* foram $1,6 \times 10^3$, $7,2 \times 10^3$ e $1,8 \times 10^5$ células para *S. Typhimurium*, *S. Enteritidis*, *S. Gallinarum* e *S. Pullorum*, respectivamente. O limite de detecção para identificar *S. Typhimurium* foi de 6,4 células. A PCR para identificar *S. Enteritidis*, *S. Gallinarum* e *S. Pullorum* obteve limites de detecção de $1,2 \times 10^3$, $4,4 \times 10^7$ e $1,8 \times 10^6$, respectivamente. Portanto, os resultados obtidos pela PCR para a detecção genérica de *Salmonella* e para a identificação de *S. Typhimurium* são definitivos, assim como um resultado negativo na PCR para a identificação dos outros três sorovares contemplados pelo PNSA. A obtenção de um resultado positivo na PCR para identificação de *S. Enteritidis*, *S. Gallinarum* e *S. Pullorum* necessita que seja continuada a técnica microbiológica convencional, se for necessário diferenciar estes sorovares. (PIBIC/CNPq)