

191

**DETECÇÃO E IDENTIFICAÇÃO DE *Salmonella* sp., *S. Typhimurium*, *S. Enteritidis*, *S. Gallinarum* e *S. Pullorum* ATRAVÉS DA REACÇÃO EM CADEIA PELA POLIMERASE (PCR) EM MATERIAIS DE ORIGEM AVÍCOLA** Carla R. Rodenbusch, Sílvia D. Oliveira, Luciana R. Santos, Ari B. Silva, Vladimir P. Nascimento, Cláudio W. Canal (Centro de Diagnóstico e Pesquisa em Patologia Aviária (CDPA), Departamento de

Medicina Animal, Faculdade de Veterinária, UFRGS).

Este trabalho teve como objetivo estabelecer uma técnica de detecção de *Salmonella* sp. e identificação de *S. Typhimurium*, *S. Enteritidis*, *S. Gallinarum* e *S. Pullorum*, sorovares contemplados pelo Programa Nacional de Sanidade Avícola (PNSA), através da Reacção em Cadeia pela Polimerase (PCR). A especificidade da técnica foi determinada com a utilização de 29 culturas de *S. Enteritidis*, 11 de *S. Gallinarum*, 10 de *S. Typhimurium*, 10 de *S. Pullorum*, 75 de outros 28 sorovares de *Salmonella* e de 21 de outros gêneros bacterianos. A especificidade para a detecção genérica de *Salmonella* e identificação de *S. Typhimurium* foi de 100%. Os iniciadores selecionados para amplificar especificamente um segmento do DNA de *S. Enteritidis*, *S. Gallinarum* e *S. Pullorum*, também detectaram a *S. Berta*. Os limites de detecção para a detecção genérica de *Salmonella* foram  $1,6 \times 10^3$ ,  $7,2 \times 10^3$  e  $1,8 \times 10^5$  células para *S. Typhimurium*, *S. Enteritidis*, *S. Gallinarum* e *S. Pullorum*, respectivamente. O limite de detecção para identificar *S. Typhimurium* foi de 6,4 células. A PCR para identificar *S. Enteritidis*, *S. Gallinarum* e *S. Pullorum* obteve limites de detecção de  $1,2 \times 10^3$ ,  $4,4 \times 10^7$  e  $1,8 \times 10^6$ , respectivamente. Portanto, os resultados obtidos pela PCR para a detecção genérica de *Salmonella* e para a identificação de *S. Typhimurium* são definitivos, assim como um resultado negativo na PCR para a identificação dos outros três sorovares contemplados pelo PNSA. A obtenção de um resultado positivo na PCR para identificação de *S. Enteritidis*, *S. Gallinarum* e *S. Pullorum* necessita que seja continuada a técnica microbiológica convencional, se for necessário diferenciar estes sorovares. (PIBIC/CNPq)