

303

ANÁLISE DO POLIMORFISMO DO SEGMENTO GÊNICO TCRBV13S5 EM POPULAÇÕES CAUCASÓIDES E NEGRÓIDES DO SUL DO BRASIL. *Aline de Castilhos Mello, Igor Ferreira Nornberg, Nance B. Nardi, José Artur Bogo Chies* (Instituto de Biociências, Departamento de Genética da UFRGS)

O receptor de célula T (TCR) consiste de um heterodímero de cadeias alfa e beta ligadas por pontes dissulfídicas altamente variáveis que reconhecem peptídeos apresentados por uma molécula de MHC. O presente trabalho teve como objetivo calcular a frequência alélica de variantes do segmento gênico TCRBV13S5 em duas populações humanas normais de diferentes etnias (caucasóides e negróides) para estabelecer futuramente correlações com determinadas doenças. Foram analisadas, através da amplificação via PCR com primers específicos e digestão com a endonuclease *HhaI*, 79 amostras de DNA de indivíduos caucasóides e 82 amostras de indivíduos negróides fornecidas pelo Laboratório de Genética Humana do Departamento de Genética da UFRGS. As frequências alélicas observadas foram: população caucasóide, alelo 01 = 0,13 e alelo 02 = 0,87; população negróide, alelo 01 = 0,12, alelo 02 = 0,88. Verificou-se que não há diferença estatisticamente significativa nas frequências alélicas quando comparadas as duas populações analisadas quanto aos alelos do segmento gênico TCRBV13S5, o que nos permite concluir que o segmento gênico em questão não pode ser utilizado como marcador molecular para diferenciação dessas populações. Financiamento: PRONEX, CNPq, FAPERGS.