

Sessão 1

Genética Animal I

003**ESTIMATIVA DA DIVERSIDADE GENÉTICA ENTRE GERAÇÕES DE TILÁPIA DO NILO (OREOCHROMIS NILOTICUS) COM MARCADORES DE RAPD.** *Tiago Collares, José Luís**Astolfi, Vitor Borba Manske, Alexandre Wagner Hilsdorf, Milton Macedo Jr., Roberta Mattos Collares Bressel, Heden Luiz Marques Moreira (orient.)* (Departamento de Zoologia e Genética, Instituto de Biologia, UFPEL).

A diversidade genética dentro da linhagem Chitralada de tilápia do Nilo (*O. niloticus*) foi examinada com marcadores moleculares (RAPD). Os animais utilizados pertenciam a um dos lotes de produção de alevinos AQUABEL e foram nominados de geração parental e F1. A geração F1 foi selecionada por ganho de peso. Foram realizadas 4 seleções durante período de criação F1, sendo a primeira de uniformização e as 3 últimas para ganho de peso. Após a última seleção foram coletados tecidos de nadadeira caudal dos 134 reprodutores parentais (37 machos e 97 fêmeas) e de 117 da F1 (27 machos e 90 fêmeas). Na análise de RAPD foram tomados aleatoriamente 10 indivíduos parentais (5 machos e 5 fêmeas). Foram escolhidos 4 primers de RAPD, dos 15 previamente testados, os quais amplificaram 26 loci. Os 4 primers (C05: 5`CAGGCCCTTC 3`, C08: 5`AATCGGGCTG 3`, D03: 5`CAATCGCCGT 3` e D07: 5`TTCCGAACCC 3`), foram utilizados para acessar a diversidade genética entre 20 genótipos, representando duas gerações. O número de loci detectada em cada primer variou de 2 a 11. As similaridades médias com os desvios padrão na geração parental e F1 foram de 0,659 (0,17) e 0,663 (0,19), respectivamente. Diferenças significativas ($P < 0,05$) foram observadas nas similaridades genéticas entre machos e fêmeas da geração parental e entre os machos da geração parental e F1. A progênie demonstrou ser mais semelhantes, em relação aos parentais, podendo demonstrar uma redução da variabilidade. (CNPq-Proj. Integrado).