

023

AVALIAÇÃO DE FATORES GENÉTICOS EM UM MODELO EXPERIMENTAL DE DISLIPIDEMIA. *Barbara Cristina Flores, Carlos Eduardo Ferreira Pitroski, Melissa Camassola, Luisa Maria Braga, Marcia Susana Nunes Silva, Maria Lucia Rossetti, Claudia Maria Dornelles da Silva (orient.)* (ULBRA).

As doenças cardiovasculares (DAC) representam uma das principais causas de morte nos países desenvolvidos e também nas grandes cidades brasileiras. As dislipidemias são um dos principais fatores de risco para o surgimento de DAC e decorrem de alterações metabólicas nos níveis de lipídios circulantes do sangue, estando diretamente relacionadas com a aterosclerose. Os níveis plasmáticos de lipídios e lipoproteínas podem ser resultado do comportamento alimentar e/ou serem devidos às variações genéticas observadas nos indivíduos. Pesquisas em genes envolvidos com o metabolismo de lipídios têm auxiliado no entendimento da suscetibilidade ao desenvolvimento de doenças cardiovasculares. O presente projeto teve como um dos objetivos padronizar as condições da técnica de extração de RNA para avaliação da regulação da expressão dos genes ACAT1, APOA e APOE envolvidos no metabolismo dos lipídios. Inicialmente foram extraídos RNA total de animais controles. O protocolo selecionado para a extração de RNA total empregou o reagente TRIZOL. Os RNAs foram obtidos a partir dos seguintes órgãos: intestino, coração e fígado, retirados de camundongos não tratados com dieta rica em gorduras. Os RNAs extraídos foram analisados em gel de agarose serão submetidos a técnica de RT-PCR para análise da expressão dos genes citados. Os estudos estão sendo conduzidos de forma que essa mesma metodologia será empregada para análise em camundongos alimentados com dieta rica em colesterol e que, posteriormente, serão tratados com espécimes vegetais com possível papel terapêutico. (PIBIC).