

PADRONIZAÇÃO DE UM ENSAIO RT-PCR PARA DIAGNÓSTICO QUALITATIVO DO RNA HCV

Franciéli Pedrotti Rozales, Fernanda de Paris, Alice Beatriz Mombach Pinheiro Machado, Cintia Costi, Afonso Luis Barth

Introdução: A infecção pelo vírus da hepatite C (HCV) é um problema de saúde pública em todo o mundo e devido a essa preocupação a avaliação da presença de material genético viral através de técnicas moleculares tem se tornado uma rotina em alguns países, pois possibilitam identificar a infecção antes da resposta imune produzir anticorpos. Uma das técnicas moleculares mais recentes é a PCR baseada em ensaios em Tempo Real (RT-PCR). **Objetivo:** Objetivo deste trabalho é a padronização de um ensaio RT-PCR para diagnóstico qualitativo do RNA do HCV. **Materiais e Métodos:** Foram utilizados primers e sondas para detecção do HCV e de um gene humano (RNase P) como controle interno da reação. Foram analisadas 30 amostras com resultados prévios através de detecção no sistema COBAS AmplicorHCV Assay v2.0 e um painel comercial de amostras de plasmas, HCV-RNALinearity PanelPHW804 (BBIDiagnostics), com carga viral conhecida. Ainda 5 diluições de amostra com quantificação conhecida (A=1000, B=500, C=200, D=100, E=50 e F=10 UI/ml) foram testadas para determinação do limite de detecção (LOD). **Resultados e Conclusões:** As 30 amostras analisadas pelo método em estudo tiveram 100% dos resultados concordantes com COBAS Amplicor. O teste do painel de linearidade demonstrou a reprodutibilidade do ensaio e nos pontos utilizados para determinar o LOD pode-se observar 100% de positividade nos pontos A, B, C e D enquanto 50% no ponto E e 0% no ponto F. Estes resultados indicam um LOD do ensaio proposto de 100 UI/mL. O LOD encontrado nesse estudo é similar a outros ensaios de detecção de HCV por PCR in-house mostrando potencial para incorporá-lo como novo método de diagnóstico.