

327

ANÁLISE DE POLIMORFISMOS NOS GENES DA PROTEÍNA TRANSFERIDORA DE ÉSTERES DE COLESTEROL (CETP) E APOLIPOPROTEÍNA E (APOE) EM PACIENTES DISLIPIDÊMICOS COM DOENÇA ARTERIAL CORONARIANA.

Millene Borges Coelho, Alessandra Kolling, Marcia Susana Nunes Silva, Ana Beatris Ramos, Andry Costa, Paulo Picon, Nadine Clausell, Moacir Wajner, Claudia Dornelles da Silva, Maria Lucia Rossetti (orient.) (ULBRA).

As doenças cardiovasculares representam uma das principais causas de morte nos países desenvolvidos. Os fatores de riscos são: dislipidemias, hipertensão arterial sistêmica, obesidade, sedentarismo, suscetibilidade genética, diabetes, tabagismo, sexo masculino, idade acima de 60 anos, entre outros. Sabe-se que as doenças cardiovasculares são de herança multifatorial. A identificação de polimorfismos nos genes APOE e CETP, envolvidos com o metabolismo de lipídios, tem auxiliado na identificação de indivíduos com suscetibilidade ao desenvolvimento de doença do coração. O presente projeto de pesquisa tem como objetivo investigar a presença de polimorfismos nos genes CETP e APOE em pacientes dislipidêmicos atendidos no HCPA, visando contribuir para o conhecimento da frequência dos polimorfismos na população estudada. Dados clínicos, epidemiológicos, bioquímicos e antropométricos serão coletados. Até o momento, procedeu-se a coleta e extração de DNA de 30 amostras de sangue. O diagnóstico molecular consiste na amplificação dos fragmentos de DNA pela técnica de Reação em Cadeia da Polimerase (PCR). As padronizações da técnica de PCR para os genes CETP e APOE foram obtidas com sucesso. O trabalho, em fase inicial, pretende genotipar os DNAs, através da clivagem dos fragmentos amplificados (535pb) do gene CETP podendo identificar os alelos B1(174 e 361pb) e B2(535pb) com o uso da enzima de restrição *TaqI*. Os produtos de PCR amplificados do gene APOE apresentam fragmento de 218 pb, serão genotipados utilizando a enzima de restrição *HhaI*, possibilitando a identificação dos alelos E2(91 e 83pb), E3(91 e 48pb) e E4(72 e 48pb). Os resultados de genotipagem para o gene CETP mostrou que das 10 amostras analisadas, 7 eram heterozigotos B1/B2 e 3 eram homozigotas B1/B1. O trabalho em andamento irá genotipar 250 amostras de DNA para a obtenção da prevalência dos polimorfismos estudados.