

166

**O POLIMORFISMO G20210A DO GENE DA PROTROMBINA E A ASSOCIAÇÃO COM DOENÇA HIPERTENSIVA GESTACIONAL.** *Penelope Rogers Vidal, Citânia Lucia Tedoldi, Israel Roisenberg (orient.) (UFRGS).*

A protrombina (fator II) é uma proteína fundamental no processo de coagulação sanguínea. Uma mutação no gene da protrombina 20210G®A está relacionada com aumento no nível plasmático desta proteína e tem sido associada com trombose venosa profunda e infarto agudo do miocárdio. Vários estudos demonstram que essa mutação é um importante fator de risco, pois pode predispor à doença hipertensiva gestacional (DHG). O gene que codifica a protrombina se localiza no cromossomo 11, posição 11p11-q12. Objetivo: verificar a distribuição do polimorfismo 20210G®A do gene da protrombina em mulheres grávidas do Sul do Brasil e avaliar a sua associação com a DHG. Métodos: analisou-se o polimorfismo 20210G®A pela técnica de PCR seguida de clivagem com a enzima *Hind III* em 132 pacientes com DHG, selecionadas na Maternidade do Hospital Nossa Senhora Conceição e em 98 mulheres grávidas sem DHG (grupo controle). As frequências alélicas e genotípicas nos dois grupos foram comparadas pelo teste de Chi-quadrado ( $\chi^2$ ). Resultados e Conclusões: O grupo de pacientes não está em Equilíbrio de Hardy-Weinberg para este polimorfismo ( $\chi^2 = 9,362$ ;  $gl=1$ ;  $p = 0,005$ ), enquanto o grupo controle se encontra em equilíbrio. A frequência do alelo A, no grupo com DHG, foi de 2,7%, enquanto que no grupo controle foi de 0,5%. A distribuição dos genótipos G/G, G/A e A/A, no grupo com DHG, foi de 95,5%, 3,8%, 0,8% e, no grupo controle, de 99%, 1%, não foi encontrado nenhum indivíduo homocigoto para o alelo A. As diferenças nas frequências alélicas ( $\chi^2=1,895$ ;  $gl = 1$ ;  $p=0,169$ ) e genotípicas ( $\chi^2=2,466$ ;  $gl = 2$ ;  $p=0,291$ ) obtidas entre os dois grupos, não foram estatisticamente significativas. Até o momento, os resultados obtidos sugerem que o polimorfismo 20210G®A do gene da protrombina não está associado com a DHG. As análises deverão ser refeitas com um número maior de amostra controle. (PIBIC).