

319

**RELAÇÃO ENTRE A VARIANTE VAL158MET NO GENE DA COMT E A RESPOSTA DE PACIENTES A ANTIPSICÓTICOS NO TRATAMENTO DA ESQUIZOFRENIA.** *Natalia Franken, Mara Helena Hutz (orient.) (UFRGS).*

A esquizofrenia é uma doença psiquiátrica que caracteriza-se por possuir uma ampla variedade de sintomas como pensamentos desorganizados e distúrbios de percepção. Este transtorno é um dos mais graves limitando extensivamente as capacidades e a qualidade de vida da população afetada. Os medicamentos comumente utilizados para tratar a esquizofrenia pertencem a dois grandes grupos: os antipsicóticos típicos e os antipsicóticos atípicos. Em torno de 20-40% dos pacientes com esquizofrenia não respondem aos antipsicóticos típicos e são da mesma maneira expostos aos efeitos adversos inerentes ao tratamento sem obterem o efeito terapêutico esperado. Baseado nisso, este trabalho visa determinar se o perfil genético pode influenciar no padrão de resposta a um determinado grupo de medicamento. A enzima catecol – o – metil transferase (COMT) faz parte do catabolismo de catecolaminas afetando os níveis de dopamina que é um dos neurotransmissores associados ao risco de desenvolvimento da esquizofrenia. A análise da variante Val158Met no gene da COMT foi realizada em 43 pacientes esquizofrênicos respondedores aos antipsicóticos típicos e em 61 pacientes esquizofrênicos refratários ao tratamento com antipsicóticos típicos. O fragmento de interesse foi amplificado pela técnica de PCR, clivado com a enzima de restrição *NlaIII* e os genótipos foram visualizados sob luz ultra-violeta após eletroforese em gel de poliacrilamida. O alelo Val da variante Val158Met foi encontrado em 57% dos cromossomos analisados ( $p=0,298$ ), em 55% dos pacientes respondedores e em 59% dos não-respondedores ( $p=0,428$ ). Apesar da análise ter sido realizada com a não totalidade dos pacientes, os dados preliminares obtidos demonstraram que a variante Val158Met no gene da COMT não exerceu influência significativa na resposta ao tratamento dos pacientes com antipsicóticos típicos. Entretanto, este resultado pode ser alterado a partir da análise da amostra completa dos indivíduos. (PIBIC).