

094

IDENTIFICAÇÃO DE GENES DIFERENCIALMENTE EXPRESSOS EM BLASTOSPOROS DE METARHIZIUM ANISOPLIAE. *Bárbara Kunzler Souza, Charley Christian Staats, Lis Ribeiro Magalhães de Carvalho, Augusto Schrank (orient.) (UNISINOS).*

O fungo filamentoso *Metarhizium anisopliae* é um agente biocontrolador amplamente utilizado no combate de diversas pragas como insetos e ácaros. O processo de infecção envolve a combinação de estruturas especializadas como a degradação da cutícula por enzimas hidrolíticas e a formação de apressório que resultam na transposição da cutícula do hospedeiro. Após a penetração, o fungo alcança a hemolinfa do hospedeiro, onde se diferencia em blastosporos que são estruturas unicelulares arredondadas que facilitam a disseminação do fungo no interior do hospedeiro. Pouco é conhecido a respeito dos genes que são responsáveis por essa diferenciação. Esse estudo tem como objetivo identificar por Análise da Diferença Representacional (RDA) genes diferencialmente expressos por *M. anisopliae* em condições de formação de blastosporos. Foram realizados cultivos do fungo com inóculo inicial de 5×10^4 esporos mL⁻¹ em meio Adamek por 16 hs (Driver) ou 64 hs (Tester). Foi verificada a produção de blastosporos somente em meio Adamek após 64 hs de incubação na concentração de 10^8 blastosporos mL⁻¹. Foi realizada a extração de RNA total e procedida a síntese de cDNA. A presença de dois transcritos de genes com expressão constitutiva (genes *trp1* e *tub1*) foi detectada nas duas condições evidenciando assim a qualidade dos transcritos extraídos. Estamos procedendo as primeiras etapas da hibridização subtrativa. Iremos clonar os produtos de hibridização e determinar inicialmente a seqüência de 400 clones para identificar genes candidatos com expressão diferencial. (CNPq).