

004

PADRÕES BIDIMENSIONAIS DE PROTEÍNAS TOTAIS EM POPULAÇÕES DE DROSOPHILA MELANOGASTER: RELAÇÃO LONGEVIDADE E VELOCIDADE DO DESENVOLVIMENTO.

Debora Todt Petry, Alice Kaliz de Oliveira, Gabriela Broilo Ferreira, Maíara Lenise Lutz, Carmen Carolina Romero Saavedra (orient.) (Departamento de Genética, Instituto de Biociências, UFRGS).

Nos estudos sobre o envelhecimento, verificou-se a existência de uma correlação negativa entre velocidade de desenvolvimento e longevidade. Por exemplo, organismos com desenvolvimento mais lento tendem a ter a longevidade alongada. Essa tendência já foi verificada em *Drosophila*, especialmente nas populações selecionadas para velocidades extremas de desenvolvimento e de longevidade que usamos em nosso estudo. Nosso objetivo é descrever o padrão bidimensional de expressão de proteína total em 8 populações de *Drosophila melanogaster* linhagem Oregon, USA, e relacionar os resultados obtidos com a seleção previamente realizada. As populações foram selecionadas de forma que temos populações precoces (OP) controle (OC) e tardias (OT) e de cada uma destas três populações foram derivadas sub-populações longevas e não-longevas. As culturas são mantidas em uma câmara controlada, com luminosidade, temperatura e umidade do ar constantes. Para obter-se o padrão total de proteínas das populações usou-se a Eletroforese Bidimensional (isoeletrofocalização e SDS PAGE) e posterior secagem e análise do gel com auxílio de programa para microcomputador. Neste trabalho são apresentados resultados referentes às populações OC e OT comparativamente aos dados da população OP, já publicados. As diferenças quantitativas já encontradas em bandas mais intensas na população precoce mais longeva do que na precoce menos longeva seriam também observáveis nas duas outras populações? Ainda, será que bandas presentes em OP menos longeva e ausentes em OP mais longeva seriam encontradas igualmente nas sub-populações menos longevas de OC e de OT? Respostas a questões como estas permitirão que sejam identificadas proteínas candidatas a estar mais intimamente relacionadas ao processo de envelhecimento neste modelo experimental. Apoio: PROPESQ, FAPERGS, UFRGS.