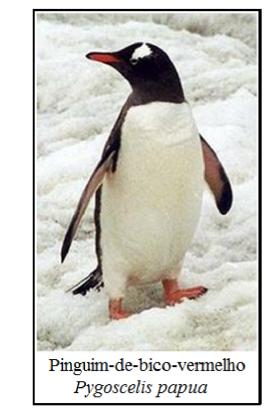


ATIVIDADE QUERATINOLÍTICA EM BACTÉRIA PSICRÓFILA ANTÁRTICA





Patrícia Aline Gröhs Ferrareze¹ – Maria Virgínia Petry²

Luís Fernando da Costa Medina¹

¹Laboratório de Biologia Molecular – UNISINOS

²Laboratório de Ornitologia - UNISINOS



INTRODUÇÃO

A bioprospecção de microrganismos como fonte de enzimas e outras substâncias de interesse biotecnológico vem motivando biólogos e outros profissionais a pesquisar os mais diversos ambientes do planeta; o continente Antártico, por sua vez, possui uma diversidade de organismos desconhecidos. A colonização deste continente por aves leva a deposição de penas e, portanto, bactérias capazes de degradá-las, consumindo uma importante fonte de carbono e nitrogênio. Estas bactérias, produzem proteases com atividade queratinolítica queratinases - capazes de degradar a β-queratina das penas de aves nas baixas temperaturas polares. A ação das queratinases é de amplo espectro, podendo ser utilizadas em processos como a hidrólise das penas residuais em aviários, depilação do couro, ou também, na obtenção de aminoácidos, como a cisteína, precursora da coenzima A e da glutationa, um dos maiores antioxidantes do organismo. Assim, a identificação de tal atividade nestes microrganismos possui potencial industrial – nutricêutico – e biológico, alicerçando-se como uma possível alternativa à química do setor coureiro e aviário do país.

MATERIAIS E MÉTODOS

COLETA: A partir de amostras de penas de pingüim (*Pygoscelis papua*) em decomposição, provenientes da Ilha Rei George (62°05'0"S, 58°23'28"W), Antártica, foram isolados dois morfotipos bacterianos. Para conservação, os tubos contendo os fragmentos de penas foram armazenados sob refrigeração (4°C) durante todo o período.

ISOLAMENTO: As penas foram semeadas em Ágar farinha de pena (1 %) e mantidas a temperatura de $4 \pm 2^{\circ}$ C, $25 \pm 2^{\circ}$ C, $30 \pm 2^{\circ}$ C e $37 \pm 2^{\circ}$ C, por 4 a 7 dias em aerobiose para crescimento.

IDENTIFICAÇÃO MOLECULAR: Após obter colônias isoladas dos morfotipos, foi realizada a extração de DNA e amplificação do gene de rDNA 16s pela PCR. Para amplificação foram usados os primers 27F (5'-AGAGTTTGATC(AC)TGGCTCAG-3') e 1585R (5'-TGCAGG TGCTCTTTTTGAAGGT-3').

IDENTIFICAÇÃO BIOQUÍMICA: Os ensaios bioquímicos realizados até o presente momento foram: coloração de Gram, catalase, motilidade e citrato de Simmons. Também foi avaliado o crescimento dos isolados em ágar MYP (Manitol gema de ovo e Polimixina B Sulfato) e ágar TSC (Triptose Sulfito Cicloserina).

RESULTADOS



SEQUENCIAMENTO GENÉTICO

ISOLADOS	ESPÉCIE IDENTIFICADA	SIMILARIDADE GENÉTICA
MORFOTIPO 1	Bacillus cereus *B. thuringiensis	100%
MORFOTIPO 2	Clostridium sordellii	85%

TESTE	MORFOTIPO 1	MORFOTIPO 2
Coloração de Gram	Bacilos Gram- positivos, esporulados, sem cristal	Bacilos Gram- positivos, esporulados, sem cristal
Catalase	Positiva	Positiva
Motilidade	Positiva	Positiva
Citrato	Negativa	Positiva
Ágar base para <i>Bacillus</i> cereus (MYP) (sem Polimixina B Sulfato)	Crescimento ótimo Lecitinase + Fermentação do manitol -	Crescimento baixo
Ágar TSC para Clostridium sp. (sem Cicloserina)	Crescimento baixo	Crescimento ótimo

Dentre os isolados, destacaram-se os cultivados a $4 \pm 2^{\circ}$ C e $25 \pm 2^{\circ}$ C - sendo estes últimos, mais satisfatórios - os demais não apresentaram crescimento significativo. Os resultados dos testes bioquímicos adicionais aumentam a suspeita em relação a existência de *Bacillus cereus;* entretanto, há incompatibilidade entre o modelo de cultivo citado na literatura para *Clostridium sordellii* e o modelo utilizado.

Apoio: UNISINOS