

INTRODUÇÃO: O PXR, codificado pelo gene *NR1I2*, é um receptor nuclear que controla a expressão de genes relacionados ao metabolismo de colesterol e de xenobióticos, e desta maneira sua variabilidade pode estar associada ao perfil lipídico e a resposta farmacológica. **OBJETIVO:** Verificar a associação entre os polimorfismos rs1523130 (A>G) e rs2472677 (C>T) com níveis basais de colesterol total, HDL-c, LDL-c e triglicerídeos em pacientes HIV positivos, bem como alteração de perfil lipídico em pacientes HIV positivos sob terapia anti-retroviral. **MÉTODOS:** A amostra foi composta por 228 pacientes HIV positivos (46,5% de mulheres, idade $37,3 \pm 10,3$ anos), sendo que destes 117 (45,3% de mulheres, idade $39,6 \pm 10,3$ anos) estavam sob tratamento anti-retroviral a pelo menos um ano. Os genótipos para cada polimorfismo foram determinados pelo método da PCR seguido de clivagem com endonucleases de restrição e eletroforese em géis de poliacrilamida. A associação dos genótipos investigados com o perfil lipídico basal bem como com a alteração de perfil lipídico foi realizada por análise de variância, após correção por co-fatores como idade e sexo. Os dados foram analisados no SPSS, considerando um nível de significância de 5%. **RESULTADOS:** Para o polimorfismo rs1523130, foi observada uma associação significativa com níveis de HDL-c basais (AA $53,0 \pm 18,6$ mg/dL, AG $52,3 \pm 13,3$ mg/dL, GG $45,8 \pm 12,5$ mg/dL, $p=0,01$) e pós-tratamento (AA $61,4 \pm 19,7$ mg/dL, AG $55,1 \pm 11,3$ mg/dL, GG $51,8 \pm 13,7$ mg/dL, $p=0,04$), mas não como a sua modificação e com as demais variáveis lipídicas basais e pós-tratamento investigadas. **CONCLUSÃO:** Os resultados sugerem que o SNP rs1523130 está associado com os níveis de HDL-c, independentemente do tratamento farmacológico. Apoio financeiro: CNPq.