

*Mesocestoides corti* é um platelminto endoparasita pertencente à classe Cestoda, a mesma de organismos de interesse médico, veterinário e econômico, como aqueles pertencentes aos gêneros *Echinococcus* e *Taenia*. *M. corti* é um cestódeo-modelo, pois, entre outras vantagens, pode ser mantido *in vivo*, em hospedeiros experimentais, e cultivado *in vitro*. Pouco ainda é sabido sobre o desenvolvimento de cestódeos, apesar dos muitos estudos realizados sobre aspectos da biologia destes parasitos. O objetivo deste trabalho é a caracterização de proteínas diferencialmente expressas durante a estrobilização (diferenciação da fase larval na de adulto) de *M. corti*. Nosso grupo construiu bibliotecas de cDNA enriquecidas com sequências diferencialmente expressas em larvas e vermes segmentados e algumas sequências codificadoras de proteínas possivelmente relacionadas ao desenvolvimento foram selecionadas para caracterização. Dentre as sequências selecionadas, estão as relacionadas à cromodomínio-helicase e à tirosino-fosfatase 1b, envolvidas, respectivamente, em processos de remodelação da cromatina e transdução de sinais. As sequências de cDNA correspondentes foram amplificadas por RT-PCR, clonadas em vetor pGEX-TEV e expressadas em *E. coli* BL21 em fusão com GST. As proteínas recombinantes foram purificadas por cromatografia de afinidade e clivadas com a protease TEV para liberação da GST. Elas serão agora utilizadas na imunização de coelhos para a produção de anti-soros policlonais monoespecíficos, os quais serão utilizados em ensaios imuno-enzimáticos para caracterização do padrão de expressão espaço-temporal destas proteínas na estrobilização de *M. corti*. (Apoio: CNPq- PIBIC)