



**XXXIII SIC** SALÃO INICIAÇÃO CIENTÍFICA

<b>Evento</b>	Salão UFRGS 2021: SIC - XXXIII SALÃO DE INICIAÇÃO CIENTÍFICA DA UFRGS
<b>Ano</b>	2021
<b>Local</b>	Virtual
<b>Título</b>	Análise do microbioma associado ao trato respiratório superior de pacientes com diagnóstico de bronquiectasia
<b>Autor</b>	GABRIEL SOUTO DE OLIVEIRA
<b>Orientador</b>	LIVIA KMETZSCH ROSA E SILVA

## **Análise do microbioma associado ao trato respiratório superior de pacientes com diagnóstico de bronquiectasia.**

**Autor:** Gabriel Souto de Oliveira

**Orientador:** Prof. Dra. Lívia Kmetzsch

Universidade Federal do Rio Grande do Sul (UFRGS).

Durante a pandemia da COVID-19 presenciamos inúmeros casos de internações hospitalares no âmbito do SUS. Contudo, segundo o Datasus, uma série de outras doenças respiratórias já acometiam a população em um número elevado de internações, com destaque a bronquiectasia. Esta doença é caracterizada pela perda do tecido elástico dos brônquios, podendo ser oriunda da fibrose cística ou de outros fatores. Tal enfermidade afeta diretamente os mecanismos de eliminação de agentes invasores que chegam ao sistema respiratório e, assim, propiciando quadros inflamatórios gerando considerado dano tecidual. Devido aos recorrentes quadros de infecções dos enfermos, a bronquiectasia tem caráter crônico, fato que torna de extrema importância o conhecimento dos microrganismos presentes nas vias aéreas destes indivíduos. Inúmeros estudos mostram que o microbioma das vias aéreas de pacientes bronquiectásicos é composto por elevada diversidade de microrganismos, incluindo vírus, fungos e em maior quantidade as bactérias. A maneira mais adequada para realizar a caracterização do microbioma é através do processamento de dados metagenômicos, uma vez que a utilização de meios de cultura tradicionais não seria indicada devido ao favorecimento do crescimento de certos microrganismos em relação aos restantes presente no meio. Devido a isso, torna-se possível a caracterização de toda a extensão de microrganismos dos pacientes acometidos pela bronquiectasia e suas possíveis interações dentro da microbiota. Neste contexto, o objetivo do trabalho é analisar o microbioma associado ao trato respiratório de pacientes diagnosticados com bronquiectasia no Estado do RS. Inicialmente, foi realizada uma revisão bibliográfica de dados metagenômicos disponíveis publicamente, no intuito de identificar quais microrganismos são predominantes no trato respiratório de indivíduos com esta enfermidade a nível mundial. Este levantamento será essencial para direta correlação com os dados metagenômicos que serão obtidos a partir de amostras clínicas de pacientes do RS. A partir dos resultados que serão adquiridos espera-se que seja possível a identificação de microrganismos marcadores desta enfermidade, propiciando um melhor direcionamento terapêutico no SUS.

**Palavras-Chave:** SUS - Bronquiectasia – Microbioma – Metagenômica – Microrganismos marcadores