



XXXIII SIC SALÃO INICIAÇÃO CIENTÍFICA

Evento	Salão UFRGS 2021: SIC - XXXIII SALÃO DE INICIAÇÃO CIENTÍFICA DA UFRGS
Ano	2021
Local	Virtual
Título	Análise de marcadores de resposta imune da saúde respiratória de aves suplementadas com substitutos a antibióticos
Autor	MARIA EDUARDA ROCHA JACQUES DA SILVA
Orientador	FRANCIELE MABONI SIQUEIRA

Análise de marcadores de resposta imune da saúde respiratória de aves suplementadas com substitutos a antibióticos

Maria Eduarda Rocha Jacques da Silva¹; Franciele Maboni Siqueira²

¹ Autora. Graduanda em Ciências Biológicas. Laboratório de Bacteriologia Veterinária (LaBacVet). Faculdade de Veterinária (FAVET). Universidade Federal do Rio Grande do Sul (UFRGS).

² Orientadora. Professora do Departamento de Patologia Clínica Veterinária. Laboratório de Bacteriologia Veterinária (LaBacVet) FAVET/UFRGS.

A avicultura é um setor que tem crescido cada vez mais no agronegócio brasileiro, sempre visando o máximo desempenho e saúde das aves. O uso de antibióticos na suplementação das aves tem sido cada vez mais limitado e restrito, e com isso os aditivos alimentares têm sido empregados com o objetivo de proporcionar condições favoráveis ao desenvolvimento de micro-organismos benéficos na microbiota dos animais e a diminuição do estresse imunológico. O presente estudo tem como objetivo identificar o efeito na resposta imune respiratória de dois aditivos alternativos na dieta de aves. Para a análise de expressão gênica foram selecionados oito genes alvos relacionados à ativação da resposta imunológica do hospedeiro, as interleucinas IL-4, IL-6, IL-10, IL-22, catelicidina CATH2, defensina AvBD4 e fator de necrose tumoral TNF- α . O gene *gapdH* foi utilizado como normalizador. Os animais foram divididos em três grupos experimentais: Grupo 1) animais não suplementados; Grupo 2) animais suplementados com probióticos; Grupo 3) animais suplementados com uma enzima poupadora de energia. De cada grupo, cinco animais foram selecionados para a coleta das amostras. A extração de RNA do tecido pulmonar foi realizada pelo método de extração orgânica. A partir do RNA extraído foram sintetizados os cDNAs por meio da transcrição reversa. Os níveis de expressão dos genes alvo foram determinados através de qRT-PCR. Dos genes analisados, foi possível observar que o gene IL-22 apresentou uma expressão diferencial positiva nos animais do Grupo 3. Enquanto os alvos IL-4, IL-6, IL-10, AVBD4, CATH2 e TNF- α não apresentaram alteração significativa nos níveis de expressão relativa em ambos os tratamentos. Com estes resultados podemos observar que a enzima poupadora de energia pode estar influenciando na modulação da resposta imune respiratória dos animais testados, o que pode ser benéfico para a redução de ocorrência de doenças respiratórias.