



XXXIII SIC SALÃO INICIAÇÃO CIENTÍFICA

| | |
|-------------------|--|
| Evento | Salão UFRGS 2021: SIC - XXXIII SALÃO DE INICIAÇÃO CIENTÍFICA DA UFRGS |
| Ano | 2021 |
| Local | Virtual |
| Título | Detecção de genes de virulência em cepas de Salmonella através da técnica de PCR |
| Autor | IZADORA BOTTEGA GONÇALVES |
| Orientador | KAREN APELLANIS BORGES FURIAN |

Detecção de genes de virulência em cepas de *Salmonella* através da técnica de PCR

Aluno: Izadora Bottega Gonçalves

Orientador: Karen Apellanis Borges Furian

Instituição de origem: Universidade Federal do Rio Grande do Sul (UFRGS)

O Brasil é o maior exportador e o segundo maior produtor de carne de frango do mundo. Com a expansão da avicultura, também aumentou o risco de disseminação de doenças, especialmente aquelas que podem ser transmitidas ao homem através do consumo de produtos de origem animal. *Salmonella* spp. é um dos principais agentes causadores de doenças transmitidas por alimentos em todo o mundo, inclusive no Brasil. A patogenia da *Salmonella* é um fenômeno multifatorial e complexo, e sua virulência está relacionada à combinação de fatores de virulência. Estes fatores são codificados por genes que conferem aos patógenos a habilidade de superar desafios e causar a infecção. Neste contexto, o objetivo deste trabalho foi avaliar a variabilidade genética de cepas de *Salmonella* de diferentes sorovares através da pesquisa de genes de virulência. Foram analisadas 13 cepas de *Salmonella* isoladas no Rio Grande do Sul em 2020. Foram pesquisados 27 genes associados à virulência (*invA*, *agfA*, *sefA*, *hilA*, *avrA*, *lpfA*, *msgA*, *cdtB*, *pagC*, *spiA*, *spvB*, *sseL*, *sopE*, *stn*, *sivH*, *sipB*, *prgH*, *spaN*, *orgA*, *tolC*, *sitC*, *lpfC*, *sifA*, *sopB*, *pefA*, *iroN*, *spvC*) através da técnica de PCR. A extração de DNA foi feita por tratamento térmico. As reações de amplificação foram realizadas em termociclador, e a análise dos produtos amplificados foi feita através da eletroforese em gel 1,5% corado com brometo de etídeo e visualização em transiluminador de luz ultravioleta. Entre os genes pesquisados, 19 (*invA*, *agfA*, *hilA*, *avrA*, *lpfA*, *msgA*, *pagC*, *spiA*, *stn*, *sivH*, *sipB*, *prgH*, *spaN*, *orgA*, *tolC*, *sitC*, *lpfC*, *sifA*, *sopB*) foram detectados em todas as cepas, e dois (*sefA* e *sopE*) não foram detectados. Um gene (*cdtB*) foi detectado em uma cepa, e dois (*spiA* e *pefA*) em duas delas. Os genes *sseL*, *iroN* e *spvC* foram detectados, respectivamente em 12 (92,3%), 11(84,6%) e 5 (38,5%) cepas.