



<b>Evento</b>	Salão UFRGS 2020: SIC - XXXII SALÃO DE INICIAÇÃO CIENTÍFICA DA UFRGS
<b>Ano</b>	2020
<b>Local</b>	Virtual
<b>Título</b>	Análise citogenética e de modelagem de nicho em <i>Herbertia pulchella</i>
<b>Autor</b>	CAROLINE TREVELIN
<b>Orientador</b>	ELIANE KALTCHUK DOS SANTOS

Universidade Federal do Rio Grande do Sul – Instituto de Biociências – Departamento de Genética

Autora: Caroline Trevelin

Orientadora: Eliane Kaltchuk dos Santos

Coorientadoras: Eudes Maria Stiehl Alves e Ariane Tonetto Vieira

Análise citogenética e de modelagem de nicho em *Herbertia pulchella*  
(Tigrideae, Iridaceae)

*Herbertia* é um gênero de plantas herbáceas que compreende oito espécies com notável variação morfológica, citogenética e ecológica. Séries poliploides já foram inferidas para algumas espécies, como *Herbertia pulchella*, que apresenta três citótipos reportados (2x, 4x e 6x). Assim, os objetivos deste trabalho são caracterizar citogeneticamente a espécie, investigar a distribuição geográfica dos citótipos e avaliar a influência da poliploidia na capacidade adaptativa e amplitude de distribuição. Para as análises mitóticas, raízes foram coletadas, pré-tratadas com 8HQ e fixadas em etanol:ácido acético (3:1). O preparo das lâminas segue o protocolo de Carvalho e Saraiva (1993) com algumas adaptações. Por fim, as lâminas foram coradas em solução de Giemsa 2% e analisadas em fotomicroscópio Zeiss Axioplan, onde as melhores metáfases foram fotografadas. Para a citometria de fluxo, fragmentos foliares foram macerados em tampão de lise LB01. Os núcleos em suspensão foram filtrados, corados com iodeto de propídeo, tratados com RNase e analisados em citômetro de fluxo Becton-Dickinson FACS-Aria. Para as análises de distribuição geográfica, coordenadas geográficas de populações de *H. pulchella* foram obtidas de plataformas de dados digitais (SpeciesLink e GBIF) e organizadas utilizando Microsoft Office Excel e Google Earth. Até o presente momento, estimativas de número cromossômico e nível de ploidia foram realizadas em seis populações de *H. pulchella*. O número cromossômico básico observado foi  $x = 7$ , de acordo com estudos anteriores em *Herbertia*. Todas as amostras de *H. pulchella* analisadas são tetraploides, sendo que indivíduos diploides e hexaploides ainda não foram observados. Em relação à citometria de fluxo, adaptações no protocolo vêm sendo testadas para otimização na qualidade das leituras. Quanto à modelagem de distribuição de *H. pulchella*, os dados de coordenadas geográficas estão sendo verificados e organizados com as ferramentas já descritas, para posterior análise de modelagem de nicho.