

**ANÁLISE DAS PRINCIPAIS ALTERAÇÕES MOLECULARES EM PACIENTES COM LEUCEMIA MIELÓIDE AGUDA NO SERVIÇO DE HEMATOLOGIA CLÍNICA NO HOSPITAL DE CLÍNICAS DE PORTO ALEGRE**

ANNELISE MARTINS PEZZI DA SILVA; FERNANDA OLIVEIRA; MARIA APARECIDA DA SILVA; LAURO JÚNIOR; VANESSA VALIM; ALICE DAHMER; LETÍCIA BAGGIO; NATHALIA KERSTING; REGINA CARVALHO; NATÁLIA LEMOS; BRUNA AMORIN E LÚCIA SILLA

Introdução: A leucemia mielóide aguda (LMA), é uma desordem clonal de precursores mielóides com consequente substituição do tecido normal, representando cerca de 90% das leucemias na idade adulta e frequentemente associada com translocações cromossômicas recorrentes. A caracterização de pacientes com LMA, através da pesquisa de alterações moleculares comuns por RT-PCR, apresenta vantagens como baixo custo, maior especificidade e sensibilidade com relação a outros métodos como citogenética e citometria de fluxo. Objetivos: Identificar as principais alterações moleculares já descritas em LMA, detectáveis por RT-PCR nos pacientes atendidos no Hospital de Clínicas de Porto Alegre. Materiais e métodos: Estão sendo analisadas 75 pacientes diagnosticados com LMA, no Serviço de Hematologia Clínica do HCPA, cujas amostras de sangue periférico e/ou medula óssea foram criopreservadas e armazenadas no banco de células do Laboratório de Cultura Celular e Análise Molecular de Células Hematopoiéticas desde 2003 até a presente data. O resultado obtido pelo RT-PCR será correlacionado com o desfecho clínico de cada paciente. Resultados e Conclusões: Dos 75 pacientes, 43(57,3%) são homens e 32(42,6%) são mulheres, com idade mediana de 42 anos(de 3 a 75) e 39(52%) encontram-se vivos com uma mediana de acompanhamento de 72 meses. Quando se separa em dois grupos, > ou < do que 60 anos, podemos observar que em nossa amostra, 83.3% dos indivíduos acima de 60 anos foram a óbito. Todas as amostras já tiveram o RNA extraído e o cDNA transcrito. Estamos em fase de padronização dos produtos de fusão a serem testados.