

165

AVALIAÇÃO DE VARIABILIDADE GENÉTICA ATRAVÉS DE MARCADORES MOLECULARES RAPD EM *Lycopersicon esculentum* L. DO RIO GRANDE DO SUL. *Manuela Figueiró, Bernardete Primieri Carelli, Sergio Echeverrigaray* (Laboratório de Biotecnologia Vegetal,

Instituto de Biotecnologia/Universidade de Caxias do Sul)

No Rio Grande do Sul, e particularmente na região da Serra Gaúcha, sua colonização predominante de imigrantes italianos e alemães teve reflexos diretos sobre o grau de variabilidade genética local das formas cultivadas de tomate (variedades comerciais e antigas), determinando o estabelecimento de uma diversificada coleção dessa cultura, formando bancos de germoplasma regionais ainda pouco estudados. Ao longo de sua domesticação e melhoramento o gênero *Lycopersicon* pode ter sofrido forte depleção gênica com perda considerável da variabilidade original. Para avaliar essa possível perda genética técnicas de marcadores moleculares permitem uma avaliação do grau de polimorfismo entre materiais. Através do RAPD é possível uma melhor caracterização de todos os genótipos de tomate disponíveis visando estimar o seu grau de variabilidade, o que nos possibilita otimizar os processos de seleção, cruzamentos, manejo e exploração do germoplasma. Foram avaliados 35 genótipos entre comerciais e landraces, utilizando-se 10 primers OPA e 10 OPX da Operon Techn. A análise eletroforética dos fragmentos amplificados foi realizada em gel de agarose 1,5%. Para análise estatística foi usado o coeficiente Jaccard (Windist) e para construção do dendograma UPGMA (MEGA 2.1). No total foram amplificados 253 fragmentos dos quais 68% apresentaram algum grau de polimorfismo. Os dados obtidos permitiram evidenciar baixa variabilidade entre os genótipos e ausência de agrupamentos definidos. Entretanto, observou-se uma tendência na distribuição dos materiais comerciais e landraces. A variabilidade entre landraces e comerciais foi semelhante o que pode ser tomado como indicativo de baixa erosão genética decorrente dos processos de melhoramento. (CNPq - projeto integrado)