

156

ANATOMIA FOLIAR DE SETE ESPÉCIES DO GÊNERO PASSIFLORA L. (PASSIFLORACEAE) NO ESTADO DO RIO GRANDE DO SUL. Denise Dalbosco Dellaglio, Rinaldo Pires dos Santos, Gilson Rudinei Pires Moreira (orient.) (UFRGS).

O gênero *Passiflora* L. apresenta uma grande diversidade morfológica de estruturas vegetativas. O objetivo do trabalho foi realizar uma análise comparativa da anatomia foliar de sete espécies de *Passiflora* do Rio Grande do Sul, escassamente estudadas: *P. actinia* Hook, *P. alata* Curtis, *P. caerulea* L., *P. capsularis* L., *P. edulis* Sims, *P. misera* H.B.K. e *P. suberosa* L. O estudo anatômico foi realizado em material fixado em glutaraldeído e formaldeído, e incluído em resina acrílica. Os cortes histológicos, obtidos em micrótomo, foram corados em Azul de Astra, Reação de PAS e Fucsina Básica, e observados em microscópio óptico de campo claro. Foram analisadas as características da epiderme, do mesofilo, dos tecidos vasculares, e presença de tecidos de sustentação e substâncias ergásticas. Tricomas estão presentes na epiderme de *P. suberosa*, *P. misera* e *P. capsularis*, nas faces adaxial e abaxial. Em *P. actinia*, células papilosas são encontradas na face abaxial. Em *P. suberosa*, as paredes periclinais externas da epiderme, na face adaxial, são mais espessas se comparadas às demais. Em todas, as folhas são hipoestomáticas, com estômatos anomocíticos, colênquima subepidérmico junto aos feixes vasculares, grãos de amido no mesofilo dorsiventral, nos parênquimas paliçádico (uniestratificado) e esponjoso. Houve variação na altura das células do parênquima paliçádico, entre as espécies. Cristais de oxalato de cálcio, na forma de drusas, estão presentes nas células da bainha dos feixes vasculares, sendo escassos em *P. suberosa*. Em *P. alata*, *P. misera* e *P. actinia*, há esclerênquima no sistema vascular, na forma de fibras. Os parâmetros anatômicos avaliados, em conjunto, permitem a identificação e diferenciação das espécies estudadas. Além disso, pretende-se que esses caracteres sejam utilizados em futuras análises filogenéticas, juntamente com dados moleculares.