

Sessão 13

Genética Molecular A

100

ANÁLISE DA REGIÃO CONTROLADORA DO GENE VLHA DE MYCOPLASMA SYNOVIAE. Shana de Souto Weber, Irene Silveira Schrank, Sergio Ceroni da Silva (orient.) (UFRGS).

Mycoplasma synoviae é um agente patogênico freqüentemente associado a doenças endêmicas que determinam sérias perdas econômicas para a avicultura. Esse microorganismo apresenta uma alta freqüência de variação antigênica nas proteínas de superfície, como a hemaglutinina, sendo este um mecanismo de evasão do reconhecimento pelo sistema imune do hospedeiro. A análise da seqüência do isolado MS53 de *M. synoviae*, obtida pelo Consórcio do Projeto Genoma Brasileiro, revelou a presença de um agrupamento de hemaglutininas, contendo o gene funcional *vlhA* e 71 seqüências parciais. Na região regulatória de *vlhA* foram identificadas duas seqüências repetidas e invertidas, as quais poderiam estar envolvidas na regulação da expressão desse gene por recombinação. No presente trabalho é analisada a hipótese de que estas repetições invertidas possam estar envolvidas no processo de inversão da região onde potencialmente se encontra o promotor do gene *vlhA* de *M. synoviae*. Oligonucleotídeos específicos foram projetados para amplificar a região regulatória do gene *vlhA* de diferentes isolados. A reação de PCR revelou que dos 10 isolados analisados apenas 4 tiveram o fragmento esperado de 1 kb. Estes fragmentos amplificados foram clivados com a enzima de restrição AluI e comparados com o padrão de clivagem do isolado seqüenciado. Todos os fragmentos amplificados de 1 kb de diferentes isolados apresentaram o mesmo padrão de restrição. Os outros 6 isolados apresentaram fragmentos amplificados de tamanho diferente do esperado. Estes fragmentos de PCR serão analisados por hibridização utilizando como sonda o fragmento de 1 kb da cepa MS53 para confirmar existência de relação com a região regulatória do gene *vlhA*. (PIBIC).