

196

AValiação DO SILENCIAMENTO DO GENE DE XIAP POR RNA DE INTERFERÊNCIA EM LINHAGENS DE GLIOMAS U87. *Andrew Oliveira Silva, Patricia Luciana da Costa Lopez, Pítia Flores Ledur, Guido Lenz (orient.) (UFRGS).*

Introdução: Gliomas representam o tipo de tumor mais comum do sistema nervoso central. Devido ao difícil tratamento, o prognóstico de sobrevivência dos pacientes é de menos de um ano. XIAP (proteína inibidora da apoptose ligada ao X) é uma proteína membro da família das IAPs (*Inhibitor of Apoptosis Proteins*) que inibe especificamente as caspases 3, 7 e 9. É o único membro da família capaz de inibir diretamente tanto as fases de iniciação quanto as de execução da cascata de caspases, bloqueando a via apoptótica e impedindo a morte celular. **Objetivo:** Considerando a super-expressão de XIAP em células tumorais, nosso objetivo foi avaliar o efeito do silenciamento gênico dessa proteína em linhagens de glioma U87, por meio de seqüência de RNA interferente (RNAi). **Métodos:** Para a realização desse estudo, foram usados vetores lentivirais contendo uma seqüência complementar ao transcrito do gene da XIAP, e um vetor controle contendo uma seqüência não complementar a nenhum transcrito humano, a fim de transduzir em gliomas U87. O silenciamento desse gene foi verificado através da técnica de RT-PCR (Reverse Transcription Polymerase Chain Reaction) e, posteriormente, por Western Blot. RT-PCRs para outras proteínas da via apoptótica como, Bcl-2, Survivina, PTEN, p53 e Bax foram realizados para verificar uma provável alteração na expressão desses genes em resposta ao silenciamento de XIAP. **Resultados:** Foi constatado, através do RT-PCR, que houve redução de mRNA de outras proteínas como BAX e p53, além da XIAP, nas células silenciadas para XIAP. Sua taxa de crescimento se mostrou reduzida em 40% e a sua sensibilidade ao quimioterápico Resveratrol 100µM foi significativamente aumentada, quando comparada com o controle selvagem. **Perspectivas:** Avaliar a expressão gênica de XIAP e das demais proteínas citadas, usando a técnica de Western Blot, e realizar uma análise do comportamento e viabilidade das células silenciadas. (Fapergs).