

005

O GENE PERIOD E O SOM DE CORTE DO MACHO DE ZAPRIONUS INDIANUS. *Munique Pereira Mendonça, Mário Josias Müller, Igor Radamés de Oliveira, Luiz Paulo Luna de Oliveira, Vera Lúcia da Silva Valente Gaiesky, Victor Hugo Valiati (orient.)* (UNISINOS).

Period é um gene do relógio circadiano no qual foram descobertas mutações que alteram o período de atividade de *Drosophila melanogaster* ao longo de 24 horas e o som de corte (ciclo ultradiano). Uma mutação na região que codifica uma repetição de aminoácidos (Thr-Gly) modifica o IPI (intervalo interpulso) de *D. melanogaster*, deixando-o parecido com o IPI de *Drosophila simulans*. O som de corte está sob o controle de vários genes e exerce um papel importante no reconhecimento entre drosofilídeos, funcionando como mecanismo de isolamento reprodutivo pré-zigótico, ao mesmo tempo em que compõe o display sexual, estimulando a fêmea para a cópula. No gênero *Zaprionus*, originário da África tropical, algumas espécies já tiveram seus sons de corte analisados, entretanto, a espécie invasora da América do Sul, *Zaprionus indianus*, permanece sem registro do som de corte. Este trabalho tem por objetivos caracterizar o som de corte do macho de *Z. indianus* e verificar se polimorfismos na região de repetição de aminoácidos do gene *Period* afetam este caráter. Foram fundadas isolinhagens descendentes de indivíduos coletados na província de Misiones (Argentina) e dos estados brasileiros de Pernambuco e Rio Grande do Sul. Casais de cada isolinhagem foram formados e o som de corte dos machos captado por um microfone de lapela ligado a um amplificador (70X). O som foi gravado com o programa Audacity e analisado nos programas SoundRuler e Matlab. Os resultados preliminares indicam que o som de corte é monocíclico, sem *burst*, e com frequência fundamental de cerca de 300 Hz. Foram desenhados *primers* com o programa Primer3 a partir da sequência do gene *Period* de *Zaprionus tuberculatus*. O DNA de cada macho gravado foi extraído e a região de repetição Thr-Gly amplificada pela PCR. O fragmento, de aproximadamente 390 pb, foi purificado e submetido ao seqüenciamento.