

CARACTERIZAÇÃO DE MICOVÍRUS DO ENTOMOPATÓGENO *METARHIZIUM ANISOPLIAE*.

Corrêa, C. T., Giménez, M. P., Bogo, M. R., Vainstein, M. H., Schrank, A. (Biotecnologia, UFRGS).

A presença de micovírus em fungos é relativamente comum e tem sido descrita em vários gêneros. A presença destes vírus pode interferir com características fenotípicas do fungo. Descrevemos a ocorrência de micovírus (genoma dsRNA) isométricos em três linhagens de *M. anisopliae*. Objetivando verificar a possibilidade de interferência com a entomopatogenicidade estamos caracterizando estes micovírus. Os segmentos de dsRNA diferem nas linhagens RJ, A1 e M5. A linhagem A1 apresenta 5 segmentos de dsRNA (5; 2, 4; 2, 2; 2 e 1 Kb) e a linhagem M5 apresenta um segmento de 5 Kb. Obtivemos espontaneamente um derivado da linhagem RJ (RJd) onde alguns dos segmentos de dsRNA estão ausentes. Existem diferenças em relação a morfologia das colônias destas linhagens. Vírus das linhagens A1, M5 e RJ foram purificados e analisados quanto ao conteúdo de dsRNA, de proteínas e observados através de ME. As partículas virais são muito semelhantes nas três linhagens (25 a 40 nm). Padronizamos uma metodologia (CF11) para purificação dos dsRNAs. Estamos caracterizando as relações entre os dsRNAs nas diferentes linhagens e tentando transferir os vírus para linhagens de *M. anisopliae* livres de vírus para verificar seu efeito no hospedeiro. Experimentos preliminares utilizando biobalística foram realizados mas não ocorreu a transferência do vírus.