

038

**CARACTERIZAÇÃO DE POPULAÇÕES DE MILHO COM O USO DE MARCADORES MOLECULARES.** Léo D. H. C. S. da Conceição, José F. Barbosa Neto. Depto. de Plantas de Lavoura, Faculdade de Agronomia, UFRGS. Bolsista PIBIC/CNPq

Um programa de melhoramento genético é baseado no melhoramento de populações. Assim sendo, a caracterização genética das populações disponíveis é um aspecto fundamental e de grande importância no planejamento para o desenvolvimento de novos genótipos. O objetivo deste trabalho foi caracterizar e avaliar diferentes populações de milho adaptadas à região sul do Brasil através do uso de marcadores moleculares. Foram avaliadas três populações de milho tropical: Amarelho del Bajio, Sintético Elite e Tuxpeño Amarelo, sendo utilizadas 24 plantas por população. A metodologia proposta por Edwards et al. (1991) foi empregada para a extração do DNA. Na reação de PCR foram utilizados seis primers de RAPD provenientes da Operon para cada população.

Os filmes fotográficos de RAPD foram avaliadas para presença (positivo) ou ausência (negativo) de fragmentos de eletroforese. Os resultados indicaram um elevado nível de variabilidade genética no germoplasma estudado, evidenciado pela frequência de polimorfismo observada (0,72). O índice de similaridade genética e o índice de Shanon demonstraram que a variação entre populações era mais importante do que a variação dentro das populações. Os fenogramas sugerem que a seleção realizada nessas populações tem favorecido a manutenção de indivíduos similares geneticamente e possibilitado a diferenciação entre populações.