Genética Molecular III

289 **TRANSFORMAÇÃO DO ENTOMOPATÓGENO *METARHIZIUM ANISOPLIAE* PARA SUPEREXPRESSÃO DA PROTEÍNA PR1A.** *Guimarães, A.P.; Franceschini, M.; Vainstein, M.; Schrank, A.* (Departamento de Biologia Molecular, Centro de Biotecnologia, UFRGS).

O cDNA do gene *pr1A* do fungo filamentoso *Metarhizium anisopliae*, codificando para uma protease do tipo subtilisina (PR1A), foi clonado no vetor de expressão para fungos, o pAN52.1*Bam*HI. A construção pAN52.1Bpr1A foi co-transformada com o vetor pBT6, com marca de seleção para benomil, para a linhagem E_6S_1 do mesmo fungo. Foi obtida uma freqüência de transformação de 50 transformantes por μg de DNA, usando o método de biolística para transformação. A estabilidade mitótica obtida foi de 50% e a eficiência de transformação para a construção do pAN52.1Bpr1A foi de 1%. O transformante t52bpr1A apresentou um aumento estatisticamente significante na expressão da protease PR1A em comparação com a linhagem de *M. anisopliae* não transformada, quando essas linhagens foram crescidas em meio de cultura contendo substrato para proteases. Em paralelo estamos determinando o padrão de amplificação aleatória de DNA polimórfico (RAPD) de 12 isolados brasileiros de *M. anisopliae*, buscando diferenciar essas linhagens a partir da amplificação de seu DNA genômico. (PADCT III, CNPq, Fapergs).