

197

ESTRUTURA POPULACIONAL NO GÊNERO PASSIFLORA. Augusto Gattermann Leipnitz, Josiane Bettim-Bandinelli, Valéria C. Muschner, Sandro L. Bonatto, Francisco M. Salzano, Loreta B. Freitas (orient.) (Genética, Instituto de Biociências, UFRGS).

As espécies *Passiflora caerulea* e *P. tenuifila*, pertencentes à série Lobatae, subgênero *Passiflora*, são facilmente reconhecidas por seus caracteres vegetativos quando adultas, embora sejam praticamente indistintas nos estádios iniciais do seu desenvolvimento. Considerando a filogenia molecular, estas espécies apresentam um grau de similaridade de 93, 7%, contra uma média geral de 86, 5% em 41 espécies do gênero. A análise de marcadores populacionais não revelou agrupamentos preferenciais, nem relações fitoecológicas para nenhuma das espécies, embora os parâmetros populacionais tenham indicado maior variabilidade intraespecífica para *P. caerulea*. Os objetivos do presente estudo são analisar a variabilidade nas seqüências de ITS1 e ITS2 das duas espécies no Rio Grande do Sul e comparar a estrutura de suas populações. Para isto, o DNA de 28 indivíduos de *P. caerulea* e 27 de *P. tenuifila* foi extraído por maceração em nitrogênio líquido e tampão de lise à base de CTAB. O DNA foi amplificado utilizando iniciadores universais e as seqüências obtidas em seqüenciador automático (Mega Base 2000). As seqüências foram alinhadas no programa Clustal X e analisadas pelo método de neighbor-joining com o programa Mega 2. Os resultados obtidos não revelaram diferenças entre as seqüências de *P. caerulea*, independentemente do local de coleta dos indivíduos. Já para *P. tenuifila* foram encontrados oito haplótipos, com uma diversidade nucleotídica, considerando a distância p, de 0, 009, indicando alta similaridade genética entre os indivíduos. Os haplótipos obtidos foram então analisados pelo método median-joining, usando o programa Network 3.x. Os relacionamentos entre os indivíduos não revelaram associação com os locais de coleta, o que reforça a sugestão de alto fluxo gênico nestas espécies. Apoio: FINEP; PRONEX-CNPq; CNPq; FAPERGS; PROPESQ-UFRGS.