

193

CARACTERIZAÇÃO FENOTÍPICA E GENOTÍPICA DE LINHAGENS DE *Salmonella* CAUSADORAS DE INFECÇÃO ALIMENTAR NO RIO GRANDE DO SUL. *Roberta F. Mariot, Fernanda A. de Oliveira, Mercedes P. Geimba, Eduardo C. Tondo* (Departamento de Ciências dos

Alimentos, Instituto de Ciência e Tecnologia de Alimentos, UFRGS).

A *Salmonella* tem sido o principal microrganismo responsável por doenças transmitidas por alimentos no Rio Grande do Sul nos últimos anos. O objetivo desse trabalho é caracterizar fenotípica e genotipicamente linhagens de *Salmonella* spp. envolvidas em surtos de infecção alimentar no RS. Foram isoladas pelo Laboratório Central do Estado (LACEN), 78 amostras de *Salmonella* provenientes de surtos investigados pela Divisão de Vigilância Sanitária do RS, ocorridos no Rio Grande do Sul nos anos de 1999 e 2000. As amostras foram identificadas segundo métodos preconizados por FDA (1992) e caracterizadas fenotipicamente por susceptibilidade aos antimicrobianos segundo NCCLS (2000). A caracterização genotípica foi realizada investigando a presença de plasmídeos de virulência de *Salmonella*, (spv) e Eletroforese de Campo Pulsado (PFGE). A maioria das amostras foram identificadas como pertencentes ao sorogrupo Enteritidis, as quais foram classificadas em 26 perfis fenotípicos diferentes quanto a susceptibilidade a antimicrobianos. Quanto à presença de spv, 87% das amostras amplificaram genes específicos. A análise parcial por PFGE demonstrou perfis genotípicos semelhantes em isolados de procedência distinta, sugerindo o envolvimento da mesma linhagem de *Salmonella* em diferentes surtos no Estado.