

322

IDENTIFICAÇÃO MOLECULAR E AVALIAÇÃO DO PERFIL DE SUSCEPTIBILIDADE DE LEVEDURAS DO GÊNERO CANDIDA COM POTENCIAL FATOR “KILLER”. Emanuel de Souza, Alexandre Meneghello Fuentesfria, Marilene Henning Vainstein (orient.) (UFRGS).

Leveduras do gênero *Candida* compreendem mais de 200 espécies, sendo que menos de 5% são patogênicas ao homem. Leveduras patogênicas que apresentem o fenótipo killer ainda não foram relatadas na literatura, embora se acredite que fatores como temperatura corporal e condições imunogênicas do hospedeiro sejam as principais barreiras ecológicas para a expressão desse genótipo neste habitat. Entretanto, em alimentos leveduras killer que pertencerem a espécies que sejam patogênicas pode ser uma possibilidade. Neste estudo oito cepas isoladas de queijos artesanais e de leite de vaca, com a marcante presença do fenótipo killer e previamente identificadas por métodos bioquímicos, foram selecionadas para a confirmação da espécie e também para avaliar se possuem alguma resistência a antifúngicos comercialmente disponíveis. As identificações moleculares foram feitas por sequenciamento da região D1/D2 do gene 26S do DNA ribossomal. O perfil de susceptibilidade frente aos antifúngicos comercialmente disponíveis serão avaliados pelo método de macrodiluição em caldo seguindo as prerrogativas preconizadas pela CLSI. Como resultado do sequenciamento, confirmou-se com uma identidade acima de 98% para *Candida parapsilosis* nos isolados KYLV02, KYLV36, KYQU134 e *Candida catenulata* nos isolados KYQU18, KYQU26, KYQU127, KYQU31, KYLV102. A presença de *C. parapsilosis*, um importante agente de infecções hospitalares e *C. catenulata* que, embora seja conhecida como saprofítica, desde 1997 vêm sendo consideradas como patógeno emergente, causador de candidíases sistêmicas. O isolamento de cepas destas espécies associadas com esse fenótipo em queijos e leite in natura sugere que essa característica pode servir como uma ferramenta de pressão seletiva neste habitat, fazendo com que prevaleçam essas espécies frente aos demais microrganismos da comunidade. Os testes para avaliar o perfil de susceptibilidade estão ainda em andamento.