Avaliação da Influência dos Polimorfismos 5-HTTLPR e 5-HTTVNTR do Gene do Transportador de Serotonina (5-HTT) com Ingestão Alimentar e Parâmetros de Adiposidade em Crianças de 3 e 4 Anos

Raquel C. Krüger¹, Ananda C.S. Galvão^{1,2}, Vanessa S. Mattevi^{1,2} Paula D.B. Campagnolo², Márcia R. Vitolo², Silvana de Almeida^{1,2}

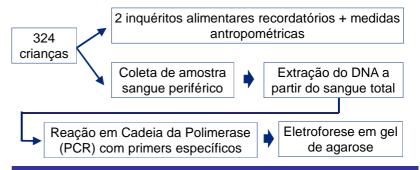
> ¹Laboratório de Biologia Molecular, Universidade Federal de Ciências da Saúde de Porto Alegre. ²Programa de Pós-Graduação em Ciências da Saúde, Universidade Federal de Ciências da Saúde de Porto Alegre.

> > raquelck@yahoo.com.br

Introdução

- O sistema serotoninérgico desempenha papel relevante na regulação da ingestão alimentar.
- O gene do transportador de serotonina (SLC6A4), proteína controla disponibilidade deste neurotransmissor. possui um polimorfismo funcional na região promotora (5-HTTLPR) e um polimorfismo de número variável de repetições em tandem no segundo íntron (5-HTTVNTR), que alteram sua atividade e expressão.

Materiais e Métodos



Objetivos

 Investigar a associação dos polimorfismos 5-HTTLPR e 5-HTTVNTR com ingestão alimentar e parâmetros de adiposidade de crianças entre 3 e 4 anos de idade.

Resultados e Discussão

5-HTTLPR

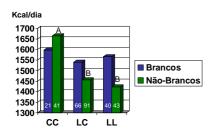


Gráfico 1: Ingestão energética total/dia para os diferentes genótipos do polimorfismo 5-HTTLPR.

Comparação entre os genótipos em indivíduos branços, p ANOVA = 0.854. Comparação entre os genótipos em indivíduos não-brancos, p ANOVA = 0,005; Post Hoc Tuckey HSD, p=0,010.

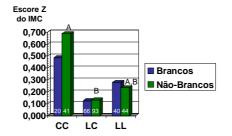


Gráfico 2: Escore Z do IMC para os diferentes genótipos do polimorfismo

Comparação entre os genótipos em indivíduos não-brancos, p ANOVA = 0,05; Post Hoc Tuckey HSD, p=0,042

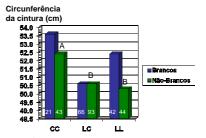


Gráfico 3: Circunferência da cintura para os diferentes genótipos do polimorfismo 5-HTTLPR.

Comparação entre os genótipos em indivíduos brancos, p não-paramétrico (Kruskal-Wallis) = 0,318. Comparação entre os genótipos em indivíduos não-brancos, p ANOVA = 0,05; Post Hoc Tuckey HSD, p=0,013.

5-HTTVNTR

Número de Refeições Diárias

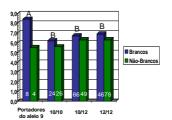


Gráfico 4: Número de refeições diárias para os diferentes genótipos do polimorfismo 5-HTTVNTR

. Comparação entre os genótipos em indivíduos brancos, p ANOVA = 0,001; Post Hoc Tuckey HSD 9x10/10 p= 0,001; 9x10/12 p= 0,006; 9x12/12 p= 0,028.

Comparação entre os genótipos em indivíduos não-brancos, p ANOVA = 0,139.

Estes achados indicam a associação dos polimorfismos 5-HTTLPR e 5-HTTVNTR no gene SLC6A4 com a regulação da ingestão alimentar e como fator de risco potencial para obesidade, de acordo com dados já publicados.







