

*Pseudomonas aeruginosa* e *Acinetobacter spp.* são considerados importantes patógenos nosocomiais e a presença de determinantes intrínsecos, mutações e a transferência horizontal de genes são responsáveis pela resistência que elas apresentam a uma grande variedade de antibióticos. Alguns casos de infecções hospitalares destas bactérias são de origem epidêmica e suas espécies geralmente são resistentes a um amplo espectro de antibióticos incluindo b-lactâmicos, aminoglicosídeos e quinolonas. Um importante aspecto no processo de aquisição de resistência pelas bactérias são os integrons que podem levar ao surgimento de bactérias multirresistentes. **Objetivo:** detectar a presença de integrons classe I em cepas multirresistentes de *P. aeruginosa* e *Acinetobacter spp.* isolados de efluente hospitalar e amostras de água superficial e investigar sua associação com a emergência de multirresistência. **Metodologia:** Foram analisadas 50 cepas de *P. aeruginosa* e 30 cepas de *Acinetobacter spp.* As cepas bacterianas crescidas em meio adequado, foram utilizados para a extração de DNA genômico por método de fervura e posterior análise por PCR com oligonucleotídeos específicos *intl1f* e *intl1r*. Os produtos de amplificação foram separados em gel de agarose corado com brometo de etídio e visualizados usando-se luz ultravioleta. A banda padrão foi comparada visualmente e os produtos de PCR foram associados com o perfil de multirresistência das cepas. **Resultados:** Dos 50 isolados de *P. aeruginosa* 18 apresentam integron de classe I, representando 36% das amostras. Já dos 30 isolados de *Acinetobacter spp.* 17 foram positivos, representando 56% das amostras. **Conclusão:** Integrons estão disseminados em cepas multirresistentes de *Acinetobacter spp.* e *P. aeruginosa*, sendo mais freqüente no primeiro e sua presença se torna importante na disseminação de genes de resistência a antibióticos. Apoio CAPES-PROF.