

Os herpesvírus bovinos tipos 1 (BoHV-1) e 5 (BoHV-5) são importantes patógenos, associados principalmente a problemas reprodutivos, respiratórios e neurológicos em bovinos. Ambos pertencem à família *Herpesviridae*, gênero *Varicellovirus*, e apresentam como característica o estabelecimento de infecções latentes em gânglios nervosos. Machos portadores, quando submetidos a estresse, podem reativar as infecções, levando à disseminação desses agentes pelo sêmen. Infecções com BoHV-1 e BoHV-5 já foram reportadas em sêmen; entretanto, infecções concomitantes com vírus destes dois tipos ainda não foram relatadas. O objetivo do presente trabalho é avaliar a presença de DNA de BoHV-1, BoHV-5, ou ambos, em amostras de sêmen de reprodutores através de testes baseados em amplificações de segmentos genômicos pela reação em cadeia da polimerase (PCR). As reações foram desenhadas tomando como alvo a região carboxi-terminal do gene que codifica a glicoproteína C, visando amplificar inicialmente um produto de 570 pares de base (pb) em vírus dos dois tipos. Após a primeira reação, uma *nested* PCR (nPCR) foi desenhada com o objetivo de amplificar produtos de diferentes tamanhos para cada tipo viral (161 pb para BoHV-1 e 236 pb para BoHV-5). Utilizando esta metodologia, estão sendo examinadas 54 amostras de sêmen *in natura* obtidas de reprodutores dos estados do Rio Grande do Sul e de Goiás, bem como 23 amostras de sêmen em palhetas, obtidas de uma central de inseminação artificial. Controles adequados foram incluídos em todas as reações. Até o momento já foram analisadas 34 amostras de sêmen *in natura* e 3 amostras de sêmen em palheta. O DNA viral foi detectado em 36 das 37 amostras (97%), sendo 32 positivas para ambos os vírus e 4 positivas apenas para BoHV-5. Os resultados indicam que o sêmen pode estar contaminado com BoHV-1 e/ou BoHV-5.