

Genética Vegetal II

137

HISTÓRIA EVOLUTIVA DE PETUNIA INTEGRIFOLIA SUBSP. DEPAUPERATA. Aline Mitcheli Carvalho Ramos, Danae Longo, Aline P Lorenz-Lemke, João R Stehmann, Sandro L Bonatto, Francisco M Salzano, Loreta Brandao de Freitas (orient.) (UFRGS).

O gênero *Petunia* Juss (Solanaceae) é nativo do Brasil e tem grande importância econômica devido ao seu potencial ornamental. *Petunia integrifolia* encontra-se naturalmente estruturada em populações parcialmente isoladas, o que se reflete em uma alta variação morfológica dentro da espécie. O chamado "complexo integrifolia" é formado por um grupo de espécies que compartilham similaridades na estrutura floral, mas diferem no habitat e distribuição. Análises genéticas sugerem que a espécie *P. integrifolia* seja subdividida em dois taxa infraespecíficos: *P. integrifolia integrifolia* e *P. integrifolia depauperata*, sendo este característico de ambientes de elevada salinidade. Populações de *P. integrifolia depauperata* estão distribuídas ao longo de toda a planície costeira que se estende desde o Chuí, Rio Grande do Sul, até o cabo Farol de Santa Marta, Santa Catarina. Os objetivos deste trabalho são identificar as relações evolutivas e filogeográficas entre estas populações e determinar o grau de variabilidade e o fluxo gênico entre elas. Foram analisados 28 indivíduos de 21 populações e coletados outros 295 indivíduos de 17 populações ainda não analisados. O DNA foi amplificado por PCR utilizando primers específicos para os espaçadores intergênicos plastidiais: *trnS-trnG* (aproximadamente 650 pb) e *trnH-psbA* (aproximadamente 420 pb). Os produtos de PCR foram seqüenciados automaticamente. As seqüências foram alinhadas com o programa *Clustal X* e analisadas no programa *MEGA* pelo método de *neighbor joining*. A determinação dos parâmetros de variabilidade e a análise combinada dos dados foram realizadas no programa *NETWORK*. Os resultados, até o momento, mostraram 24 sítios variáveis para o marcador *trnH-psbA* e 17 para *trnS-trnG*, indicando baixa variabilidade interpopulacional e fluxo gênico reduzido. Está em andamento a ampliação da amostragem a fim de cobrir toda a extensão da planície costeira e a busca por outros marcadores variáveis. (PIBIC).