

eP1235**Expressão de microRNAs em plasma de pacientes com doença renal do diabetes**

Eloísa Toscan Massignam, Taís Silveria Assmann, Aline Rodrigues Costa, Marcia Puñales, Balduino Tschiedel, Luis H. Canani, Daisy Crispim - HCPA

Introdução: A doença renal do diabetes (DRD) é a principal causa de doença renal terminal; entretanto, a patogênese dessa doença não é completamente conhecida. As atuais terapias não são totalmente eficazes no tratamento e prognóstico da DRD, sugerindo que uma maior compreensão dos mecanismos moleculares subjacentes à patogênese desta doença é necessária para melhorar seu tratamento. Recentemente, pesquisas tem evidenciado o importante papel dos microRNAs (miRNAs) na regulação da expressão de genes codificantes de proteínas. Diversos miRNAs parecem participar da patogênese da DRD; no entanto, os resultados ainda são inconclusivos. Portanto, a identificação de miRNAs envolvidos na DRD pode ajudar no diagnóstico e tratamento desta doença. **Objetivo:** Identificar um perfil de expressão dos miRNAs associado com DRD no plasma de pacientes com diabetes mellitus tipo 1 (DM1) com diferentes graus dessa complicação. **Materiais e métodos:** A expressão de 48 miRNAs foi investigada no plasma de 46 pacientes com DM1: 24 pacientes no grupo 1 [pacientes com DM1 há mais de 10 anos, com excreção urinária de albumina (EUA) <30mg/g e taxa de filtração glomerular estimada (TFGe) ≥ 60 ml/min/1.73 m²], 15 pacientes no grupo 2 (pacientes com DM1 com EUA 30-300mg/g e/ou TFGe 45-59 ml/min/1.73 m²) e 16 pacientes no grupo 3 (pacientes com DM1 e EUA > 300 mg/g e/ou TFGe 15-29 ml/min/1.73 m²). Para a quantificação relativa desses miRNAs foi utilizada a técnica de array [Stem-loop RT-PreAmp Real-time PCR e TaqMan Low Density Array cards (Thermo Scientific Inc)]. **Resultados:** Nove miRNAs foram diferencialmente expressos entre pacientes com DM1 sem DRD (controles) e pacientes com DM1 e diferentes níveis de DRD (casos). Seis miRNAs estavam diminuídos (miR-141, miR-16, miR-192, miR-204, miR-215 e miR-29a) e três estavam aumentados (miR-21-3p, miR-378 e miR-503) em casos comparados com os controles. Ainda, miRNAs miR-141 e miR-192 estavam diminuídos em pacientes com DRD grave (grupo 3) e os miRNAs miR-21-3p e miR-378 estavam aumentados neste grupo comparado ao grupo controle. **Conclusão:** Nossos resultados preliminares mostram que nove miRNAs circulantes são diferencialmente expressos em pacientes com DM1 com DRD comparado ao grupo controle. **Palavras-chaves:** doença renal do diabetes, microRNAs