
DISSEMINAÇÃO DA RESISTÊNCIA AOS ANTIBIÓTICOS β -LACTÂMICOS MEDIADA PELO GENE MECA NOS STAPHYLOCOCCUS SPP COAGULASE NEGATIVA**ALICE BEATRIZ MOMBACH PINHEIRO MACHADO; KELI CRISTINA REITER; RODRIGO MINUTO PAIVA, AFONSO LUÍS BARTH**

Introdução: *Staphylococcus* spp coagulase-negativa (SCoN) são causa comum de bacteremias. Apresentam tendência a desenvolver resistência a múltiplos antibióticos e quando resistentes à metilina são considerados resistentes a todos antibióticos β lactâmicos. **Objetivos:** Determinar a resistência a metilina mediada pelo gene *mecA* e a eficiência dos discos de cefoxitina e oxacilina para caracterizar a resistência à metilina em SCoN. **Materiais e Métodos:** 181 SCoN de hemoculturas consecutivas provenientes do Hospital de Clínicas de Porto Alegre foram analisadas para detecção da resistência à metilina por PCR para o gene *mecA* e teste de disco difusão (DD) de cefoxitina e oxacilina. As espécies foram identificadas por PCR (gene *tuf*) para o *S.epidermidis* e pelo MINI-API BioMerieux®. **Resultados:** A prevalência do gene *mecA* foi de 71,3%. A sensibilidade do teste DD de cefoxitina e oxacilina para todas espécies de SCoN foi de 100% e 98,4%, respectivamente e a especificidade foi de 93% e 89,3%. Entre os isolados obteve-se 64% de *S.epidermidis*, 10% *S.hominis*, 8,8% *S. haemolyticus* e 7,7% *S. capitis*. A percentagem de isolados positivos para o gene *mecA* foi maior para *S.haemolyticus*, seguido pelo *S. epidermidis* e *S. hominis*. Os SCoN resistentes à metilina apresentaram um nível de resistência maior a todos os antibióticos não β -lactâmicos quando comparados com os SCoN sensíveis à metilina, exceto para doxiciclina. **Discussão:** O teste DD com cefoxitina apresentou melhor resultado para determinar a resistência mediada pelo gene *mecA*. A distribuição do gene *mecA* entre as espécies indicou que o *S.haemolyticus* foi a espécie mais resistente aos antibióticos β -lactâmicos. Isolados com gene *mecA* são mais resistentes aos antibióticos não β -lactâmicos que os sem o gene *mecA*.