

1029**CARACTERIZAÇÃO GENOTÍPICA DA COLONIZAÇÃO PELO PNEUMOCYSTIS JIROVECII EM PACIENTES INFECTADOS PELO VÍRUS HIV**

Gustavo Wissmann Neto, André Luís Müller, Denise de Borba Antunes, Vítor de Freitas Zinn, Rosicler Luzia Brackmann, João Carlos Prolla. Hospital de Clínicas de Porto Alegre (HCPA)

Introdução. O *Pneumocystis jirovecii* causa a pneumonia por *Pneumocystis* (PcP) em pacientes com a Síndrome da Imunodeficiência Adquirida (AIDS). Recentemente foi demonstrado que este fungo coloniza entre 40-68% dos pacientes com o vírus da Imunodeficiência Humana (HIV). Não está ainda esclarecido se a colonização pelo microorganismo representa o primeiro passo para o desenvolvimento de PcP. **Objetivos.** Estudar a caracterização genotípica do *P. jirovecii* que coloniza pacientes HIV-positivos; comparar os genótipos obtidos no estudo com os genótipos do *P. jirovecii* encontrado em pacientes com PcP. **Material e métodos.** Foram estudados os pacientes adultos com HIV que internaram de agosto a dezembro de 2012 no Hospital de Clínicas de Porto Alegre e que não apresentaram PcP. Os pacientes foram submetidos à coleta do lavado de orofaringe. Neste espécime clínico, o DNA foi extraído através do QIAamp DNA Mini Kit (QIagen) e a detecção do *P. jirovecii* foi feita através de uma nested-PCR com os primers pAZ102-E / pAZ102-H e pAZ102-X / pAZ102-Y. A seguir, foi realizada a caracterização da Grande subunidade do RNA ribossômico mitocondrial (mtLSUrRNA) e da Pequena subunidade do RNA ribossômico mitocondrial (mtSSUrRNA) através de sequenciamento automatizado do DNA (ABI3500, Applied Biosystems). **Resultados.** A colonização pelo *P. jirovecii* foi identificada em 44,82% (26/58) dos pacientes estudados. Na caracterização da mtLSUrRNA foi observado: genótipo 1 (85C/248C): 33,33%; genótipo 2 (85A/248C): 8,33%; genótipo 3 (85T/248C): 50,00%; genótipos mistos 2 e 3: 8,33%. A caracterização da mtSSUrRNA demonstrou: genótipo 1 (160C/196T): 4,76%; genótipo 2 (160A/196G): 19,04%; genótipo 3 (160A/196T): 66,66%; genótipos mistos 2 e 3: 9,52%. A análise dos dados indicou uma concordância estatisticamente significativa (chi-quadrado de Pearson) entre os genótipos obtidos dos pacientes colonizados e os genótipos já conhecidos de 34 pacientes com PcP no nosso meio. **Conclusões.** A correlação genotípica entre o *P. jirovecii* de pacientes HIV-positivos colonizados e o *P. jirovecii* de pacientes com PcP pode sugerir que a) existe a transmissão do fungo entre as duas populações; b) a colonização pode evoluir à pneumonia em hospedeiros susceptíveis. A identificação dos indivíduos colonizados poderá colaborar em futuras estratégias de prevenção da PcP, especialmente no ambiente hospitalar. **Palavra-chave:** *Pneumocystis jirovecii*; Colonização; AIDS. Projeto 12-0282