

Foram estudados 208 roedores pertencentes a cinco espécies do gênero Oryzomys, coletados em vários locais do Brasil, principalmente na região Sul. Através de eletroforese horizontal em gel de amido foram investigados três sistemas enzimáticos (aspartato amino transferase, AAT, leucina amino peptidase, LAP, e fosfoglicose isomerase, PGI) nas espécies: O. nigripes, O. flavescens, O. ratticeps, O. nittidus e O. sp. Os três sistemas apresentaram-se polimórficos na maioria das espécies, tendo sido encontrados, no total, três alelos para AAT, três para LAP e quatro para PGI. Alguns destes alelomorfos foram detectados unicamente em uma das espécies, podendo ser utilizados como alelos diagnóstico. O grau de polimorfismo (P) e o número médio de alelos (A) variaram de 1,00 e 2,67 (O. nigripes e O. ratticeps) a 0,33 e 1,33 (O. sp.), respectivamente. A heterozigosidade média esperada por loco oscilou entre 0,40 (O. ratticeps) e 0,17 (O. sp.). A investigação de um maior número de sistemas proteicos será necessária para confirmar, ou não, os altos níveis de variabilidade genética verificados nestas espécies.

(CNPq, FINEP, PROPESP, FAPERGS)