

037

ANÁLISE POR ENZIMAS DE RESTRIÇÃO DE PARTE DO GENE *gag* DE ISOLADOS DE LENTIVÍRUS OVINO MAEDI-VISNA (MVV) DE ANIMAIS NATURALMENTE INFECTADOS. Rachel F. da Silva, Dilmara Reischak, Valéria Moojen, Ana Paula Ravazzolo (Centro de Biotecnologia, Departamento de Patologia Clínica Veterinária, Faculdade de Veterinária, UFRGS).

O lentivírus Maedi-Visna é responsável por uma doença degenerativa, multissistêmica, de evolução lenta e progressiva que, além de ocasionar problemas diretamente relacionados à sanidade animal, pode gerar impasses nas políticas de importação e exportação de ovinos. O genoma dos lentivírus, família *Retroviridae*, apresenta genes que codificam proteínas estruturais (*gag*, *pol* e *env*), e genes que codificam proteínas reguladoras (*vif*, *tat* e *rev*). Diversos estudos tem sido desenvolvidos no sentido de esclarecer a possível ocorrência de variabilidades no genoma dos lentivírus de ovinos (MVV) e de caprinos (CAEV – Vírus da Artrite-Encefalite Caprina). Este trabalho visou caracterizar, através de enzimas de restrição, parte do gene *gag* amplificada pela reação em cadeia da polimerase (PCR) de isolados de animais naturalmente infectados. Os DNAs utilizados foram extraídos ou a partir de cultivos celulares de membrana sinovial ovina apresentando sincício - dois isolados - ou a partir de sangue e de corte de tecido de um ovino que apresentava sinais clínicos de infecção por lentivírus. As enzimas utilizadas foram *AluI*, *AvaI*, *DdeI*, *HaeIII*, *MvaI*, *NdeI*, *PstI* e *SmaI*, todas gerando fragmentos que puderam ser visualizados e diferenciados em gel de agarose. Os resultados demonstraram que as duas amostras obtidas de um mesmo animal apresentaram diferentes perfis, indicando variações do vírus no sangue em relação ao da membrana sinovial. As amostras obtidas a partir de cultivo celular apresentaram um perfil enzimático diferente do padrão (MVV - KV1772) e do apresentado pelas amostras de sangue e de membrana sinovial, indicando uma variabilidade no genoma viral de cada isolado (CNPq-PIBIC/UFRGS).